



Reporte

Circulación de SARS-CoV-2 VOC 202012/01 en Chile

29-01-2021

Departamento de Epidemiología



Reporte de la circulación de SARS-CoV-2 VOC 202012/01 en Chile

Antecedentes:

La aparición de mutaciones en la genética viral son eventos esperados y que son parte de la naturaleza de los virus. Desde que se realizó la caracterización genómica del SARS-Cov-2, se han identificado diversas mutaciones y grupos genéticos o variantes. El 14 de diciembre de 2020 el Reino Unido notificó la detección de una variante del virus SARS-Cov-2 denominada SARS-CoV-2 VOC 202012/01, cuyas características biológicas y epidemiológicas sugieren que se trata de un nuevo linaje viral, llamado B.1.1.7. Los primeros casos de esta variante datan de septiembre de 2020, con lo cual es probable que esté circulando en otras localidades (OMS, 19/12/2020). Esta variante tiene una mutación en la región de unión al receptor de la proteína Espícula en la posición 501, reemplazando un aminoácido asparagina por una tirosina. Estudios preliminares indican que esta mutación y nueva variante del virus parece ser significativamente más transmisible que otras variantes, con un potencial estimado de aumento del número reproductivo (R) de 0,4 o más, y con una transmisibilidad aumentada estimada de hasta el 70%. Estudios recientes han documentado que las personas infectadas con esta variante SARS-CoV-2 VOC 202012/01 (B.1.1.7) tienen un mayor riesgo de fallecer (letalidad) que las personas infectadas con otras variantes (OPS/OMS, 26/01/21). Hasta el 25 de enero de 2021, 62 países además del Reino Unido han reportado importación de la variante SARS-CoV-2 VOC 202012/01, incluyendo países de América como Estados Unidos, Canadá y Chile.

Otras variantes de relevancia internacional son P.1 y P.2 de linaje B.1.1.28, ambas de origen en Brasil. El 9 de enero de 2021 Japón notificó a la OMS sobre una nueva variante de SARS-Cov-2, llamada P.1 detectada en 4 viajeros procedentes de Brasil. Esta variante no tiene relación con la variante británica y había sido identificada en Brasil en diciembre de 2020, específicamente en Manaus, Estado de Amazonas. El 12 de enero de 2021 investigadores de Brasil informaron de la detección de otra variante del linaje B.1.1.28, llamada P.2 la que, al igual que P.1, presenta la mutación E484K, pero habría evolucionado de manera independiente a la variante P.1 identificada en los viajeros en Japón. Actualmente se ha reportado que los casos más recientes en Manaus están siendo causados por la transmisión local de P.1 aunque P.2 también podría estar circulando. (OPS/OMS 26/01/21).

En Chile, desde la apertura de la frontera a través del Aeropuerto Arturo Merino Benítez (AAMB) el 23 de noviembre, se implementó un sistema gradual de vigilancia especial para viajeros que provenían de países de riesgo, que incluyó la Búsqueda Activa de Casos (BAC) de COVID-19 en estos viajeros, junto a su aislamiento en hospitales o residencias sanitarias y a la intensificación de la fiscalización de cuarentenas en estos grupos. Estas acciones, se articularon con el Instituto de Salud Pública (ISP), para evaluar las secuencias genéticas de las muestras positivas por RT-PCR pesquisadas en el aeropuerto y la de sus contactos. Estas medidas se sumaron a las dispuestas para todos los viajeros independiente del lugar de procedencia como tener un resultado de RT-PCR para SARS-CoV-2 negativa para ingresar al país y cumplir con cuarentena de 10 días, entre otras.

El 22 de diciembre de 2020, mediante la estrategia de Búsqueda Activa de Casos en el AAMB dirigida a viajeros procedentes de países de riesgo, se detectó el primer caso sospechoso de la variante de SARS CoV-2 VOC 202012/01 en Chile, confirmado mediante el estudio de secuenciación realizado por el ISP.

Circulación de SARS-CoV-2 VOC 202012/01 en Chile:

Desde el 22 de diciembre de 2020, se han identificado 6 eventos de importación de esta variante en vuelos internacionales y 1 caso aislado sin antecedente de viaje al extranjero, resultando en total 28 casos de infecciones compatibles con la variante británica SARS CoV-2 VOC 202012/01 (también conocida como B.1.1.7). Actualmente, otros casos secundarios se encuentran en estudio de secuenciación en el ISP para determinar la posible aparición de nuevos casos con SARS-CoV-2 VOC 202012/01.

Respecto a las variantes brasileñas (P.1 y P.2 E484K) en Chile, no se han reportado casos positivos con P.1, pero sí se han pesquisado casos con variante P.2 E484K arribados desde el extranjero. Al 29 de enero de 2021, 18 casos positivos han sido secuenciados y notificados con la Variable P.2 E484K en Chile, procedentes de vuelos desde Brasil, Estados Unidos y Colombia. Actualmente otros casos positivos se encuentran en proceso de secuenciación para determinar la posible aparición de más casos con esta variante.

Es importante para América y el mundo, mantener un adecuado protocolo de vigilancia genómica de COVID-19 que contribuyan a la generación de datos e información actualizada de la secuenciación genómica del virus SARS-CoV-2, así como también realizar una adecuada identificación de casos, seguimiento, trazabilidad y aislamiento de estos. Chile es uno de los países que ha contribuido en la recolección de datos y estudios genómicos de COVID-19 para la OMS en Latinoamérica. Actualmente cuenta con un protocolo para viajeros que implica tener un registro y seguimiento de los casos positivos de COVID-19 con nuevas variantes que ingresan al país a través de los vuelos internacionales.

Imagen 1. Distribución de casos COVID-19 positivos con variantes B.1.1.7 y P.2 por región.

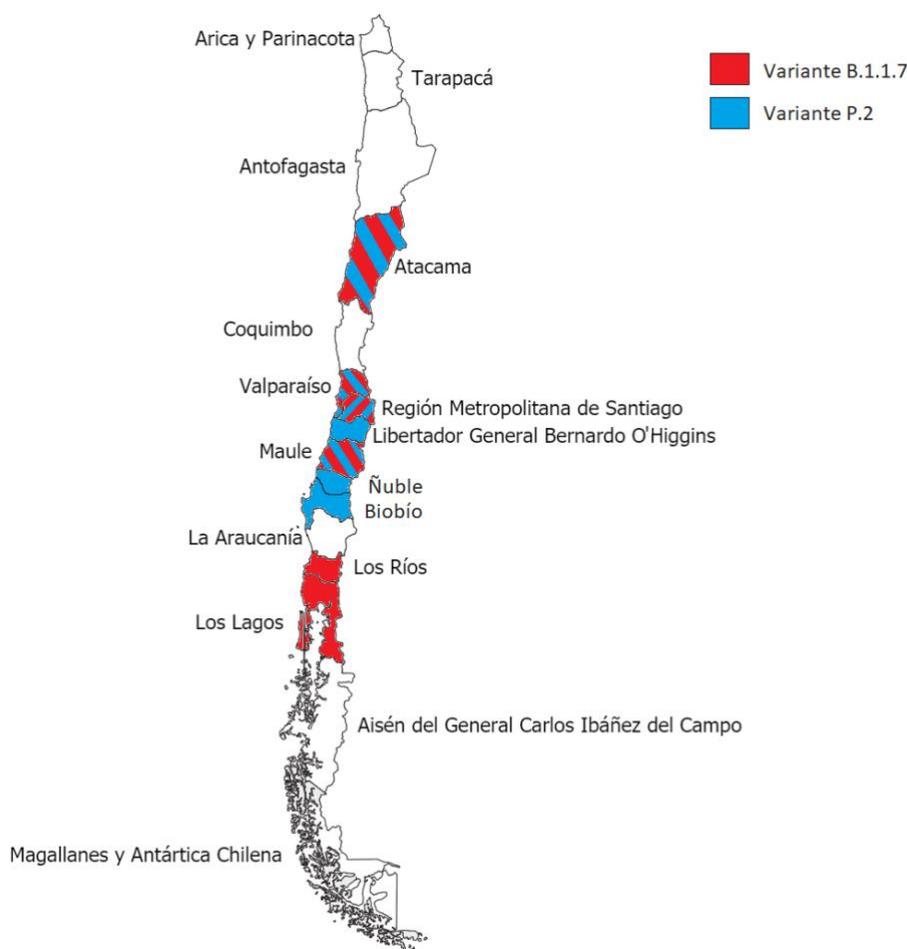
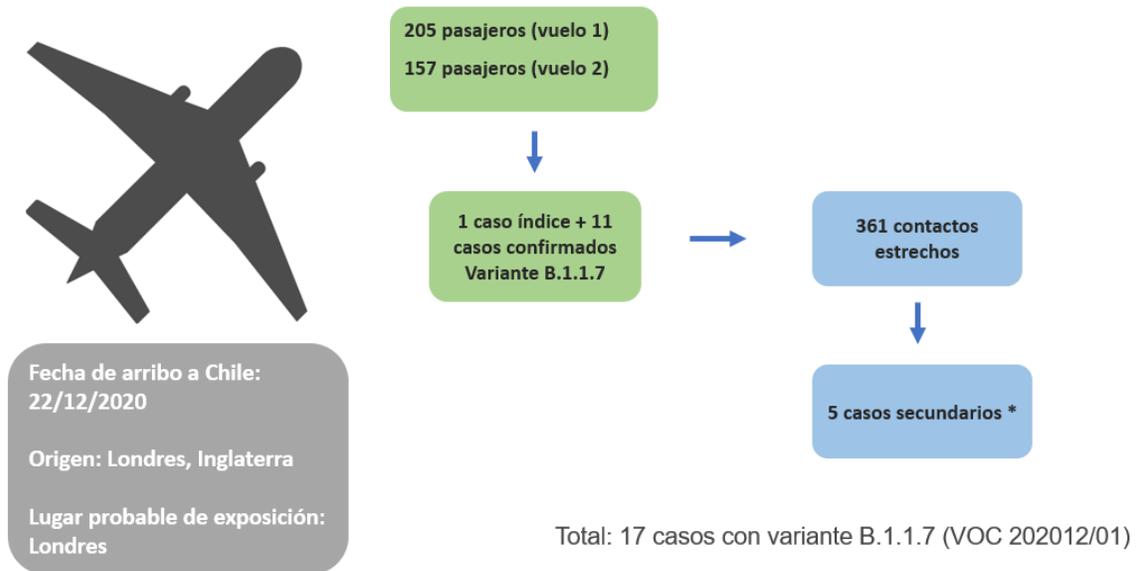


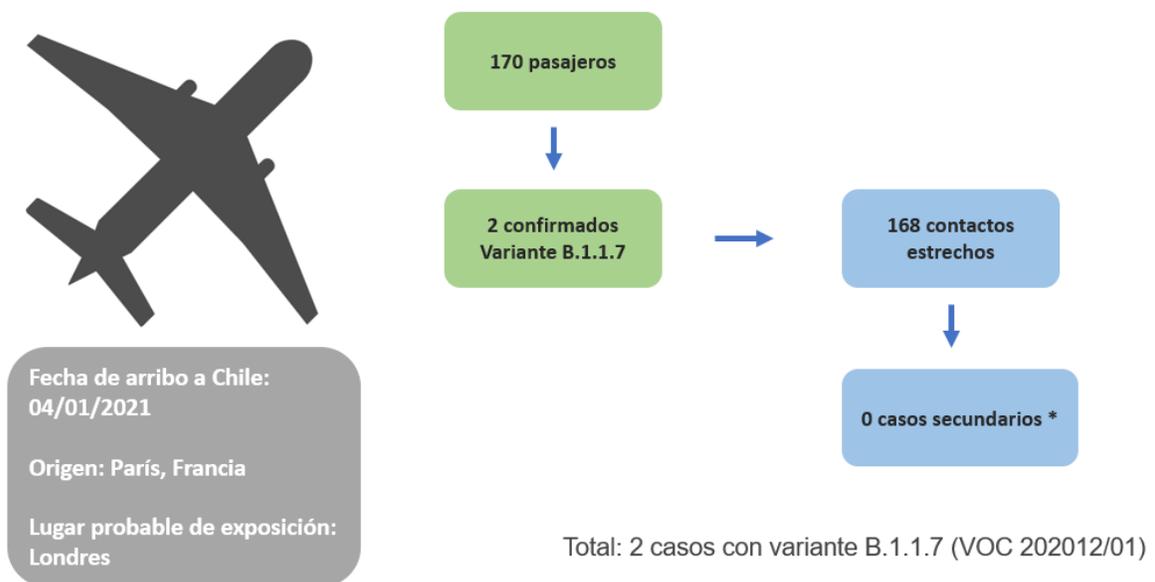
Imagen 1. La distribución de casos de las variantes B.1.1.7 y P.2 según región. El total de casos de variante B.1.1.7 es de 28 casos y el de la variante P.2, 18 casos a lo largo de todo Chile. La región metropolitana concentra la mayor cantidad de casos.

En los siguientes diagramas se muestran los eventos de importación de casos positivos para la variante de SARS CoV-2 VOC 202012/01 con la cantidad de casos secundarios relacionados con cada uno de los vuelos.

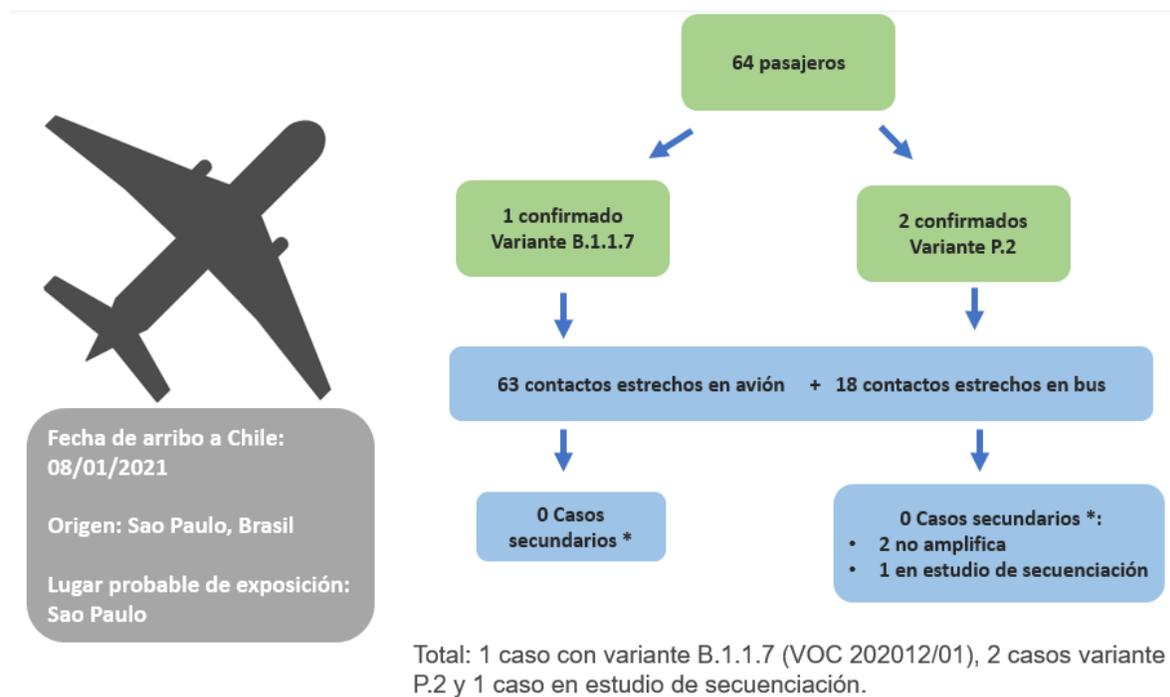
Primera importación de variante SARS-CoV-2 VOC 202012/01 reportada



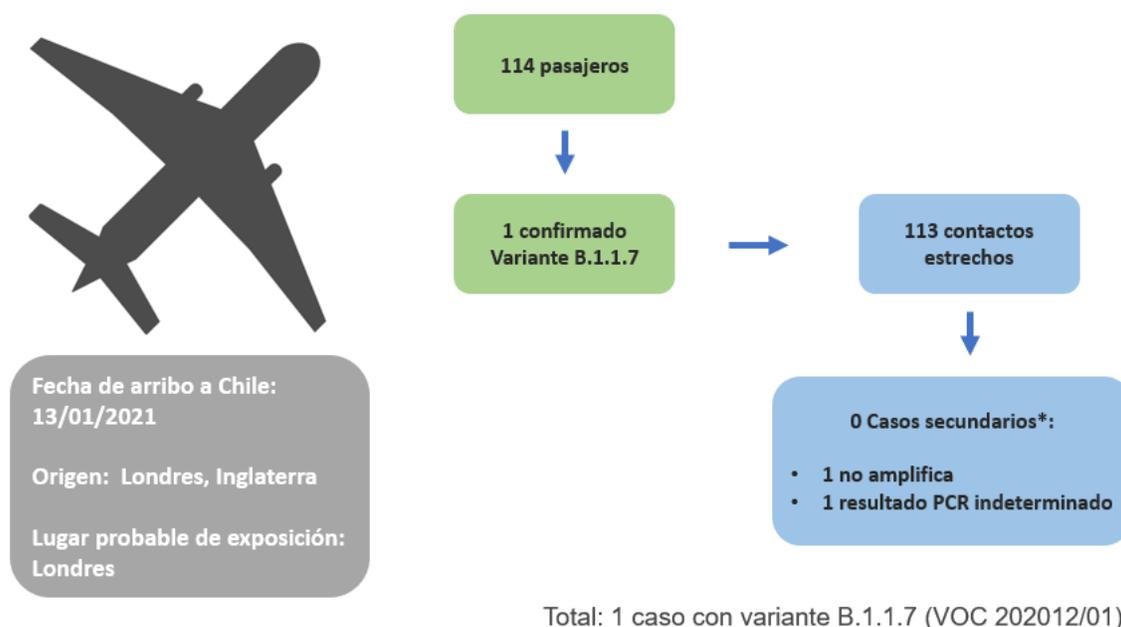
Segunda importación de variante SARS CoV-2 VOC 202012/01 reportada



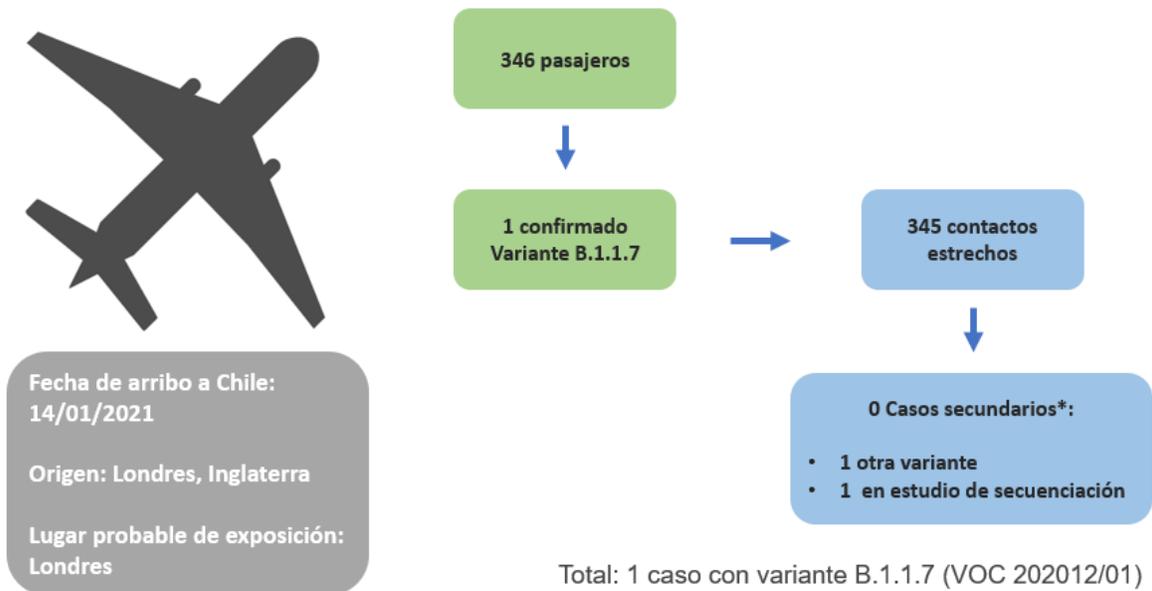
Tercera importación de variante SARS CoV-2 VOC 202012/01 reportada



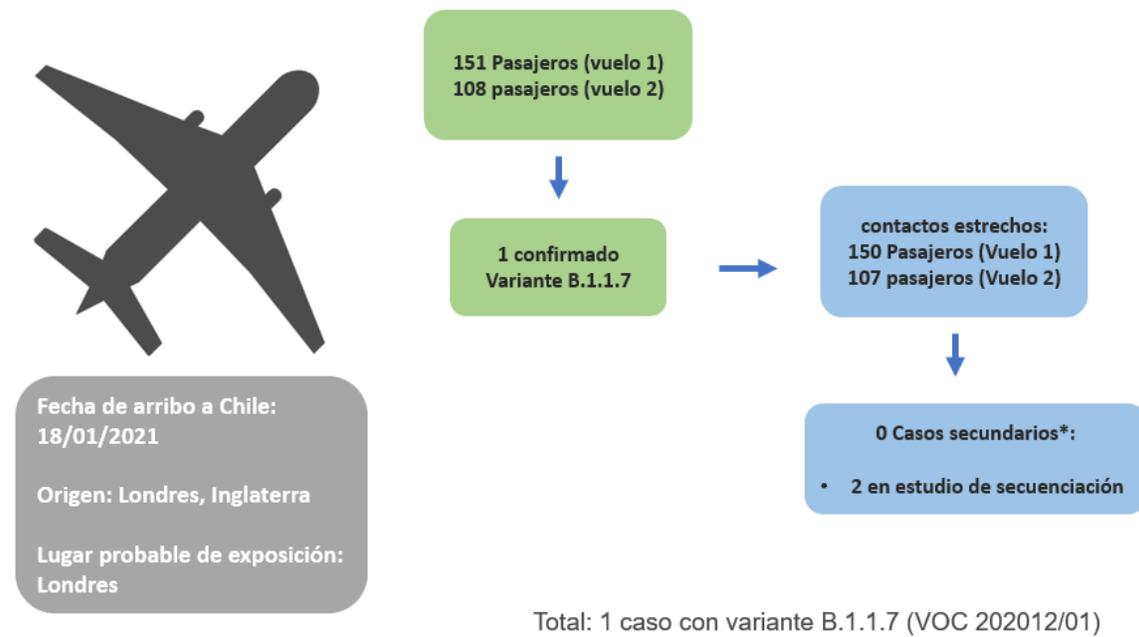
Cuarta importación de variante SARS CoV-2 VOC 202012/01 reportada



Quinta importación de variante SARS CoV-2 VOC 202012/01 reportada



Sexta importación de variante SARS CoV-2 VOC 202012/01 reportada



* Casos secundarios para variante VOC 202012/01 (B.1.1.7)

Bibliografía:

1. Centers for Disease Control and Prevention. Emerging SARS-CoV-2 Variants. CDC, 28 de enero de 2021. Disponible en: <https://www.cdc.gov/coronavirus/2019-ncov/more/science-and-research/scientific-brief-emerging-variants.html>
2. Organización Panamericana de la Salud / Organización Mundial de la Salud. Ocurrencia de variantes SARS-CoV-2 en las Américas. 20 de enero de 2021, Washington, D.C. OPS/OMS. 2021. Disponible en: <https://www.paho.org/es/documentos/actualizacion-epidemiologica-ocurrencia-variantes-sars-cov-2-americas-20-enero-2021>
3. Organización Panamericana de la Salud / Organización Mundial de la Salud. Ocurrencia de variantes SARS-CoV-2 en las Américas. 26 de enero de 2021, Washington, D.C. OPS/OMS. 2021. Disponible en: <https://www.paho.org/es/documentos/actualizacion-epidemiologica-ocurrencia-variantes-sars-cov-2-americas-26-enero-2021>